

## Baromfi eredetű *Mycoplasma* törzsek antibiotikum érzékenységének vizsgálata

Gyuranecz Miklós<sup>1</sup>, Kreizinger Zsuzsa<sup>1</sup>, Sulyok Kinga Mária<sup>1</sup>, Hrivnák Veronika<sup>1</sup>, Kecskemétiné Turcsányi Ibolya<sup>2</sup>, Jánosi Szilárd<sup>2</sup>, Thuma Ákos<sup>2</sup>, Gyuris Éva<sup>2</sup>, Rónai Zsuzsanna<sup>2</sup>

- 1) MTA ATK Állatorvos-tudományi Intézet, 1143 Budapest, Hungária krt. 21.
- 2) NÉBIH Állategészségügyi Diagnosztikai Igazgatóság, 1143 Budapest, Tábornok utca 2.

Kapcsolat: dr. Gyuranecz Miklós: 06 30 2777-305, m.gyuranecz@gmail.com

A különböző *Mycoplasma* fajok okozta fertőzések nagy gazdasági veszteségekkel járó légzőszervi megbetegedéseket, ízületgyulladást, szaporodásbiológiai rendellenességeket okozhatnak a különböző baromfi állományokban. A mycoplasmosisok elleni védekezésnek három lehetséges módja van; a mentesítést követő megelőzés, a vakcinázás és a gyógykezelés.

A különböző baromfiféléket megbetegítő *Mycoplasma* fajokkal 2014 őszén kezdtünk el alaposabban foglalkozni abból a célból, hogy fejlesszük e kórokozók okozta fertőzések elleni védekezési lehetőségeket.

Az elmúlt fél év során optimalizáltuk a mintagyűjtési technikákat, az izolálási és PCR módszereket. Megkezdtük egy hazai *M. gallisepticum*, *M. synoviae*, *M. meleagridis*, *M. 1220*, *M. anatis* és *M. anseris* törzsgyűjtemény kialakítást és az összegyűjtött izolátumok antibiotikum érzékenységének meghatározását (minimális gátló koncentráció) az alábbi antibiotikumokkal szemben: fluoroquinolonok (enrofloxacin, norfloxacin), aminoglikozidok (gentamicin, spektinomycin), tetraciklinek (tetraciklin, doxyciklin), makrolidok (tylosin, tilmicosin, tilvalosin), pleuromutilinek (tiamulin, valnemulin) és fenikol (florfenikol).

Az elkövetkező időszakban folytatni szeretnénk a törzsgyűjtést, hogy reprezentatív számú izolátum összegyűjtése után aktuális adatokat szolgáltatassunk a magyarországi baromfi eredetű *Mycoplasma* izolátumok antibiotikum érzékenységéről, amik nagyban segíteni fogják a hazai fertőzések hatékonyabb gyógykezelését. Meg szeretnénk határozni számos vad izolátumnak és *in vitro* szelektált rezisztens törzsnek a teljes genom szekvenciáját abból a célból, hogy gyors és olcsó molekuláris rendszereket fejleszthessünk ki a baromfi eredetű *Mycoplasma* törzsek egyes antibiotikumokkal szembeni érzékenységi profiljának a meghatározására. Ezek segítségével izolálás nélkül, közvetlenül a klinikai mintából (pl. légsző tampon), egy napon belül meg lehetne határozni a fertőzést okozó *Mycoplasma* törzs különböző antibiotikumokkal szembeni érzékenységét. Így a gyakorló állatorvosok gyorsan, célzott antibiotikum kezelést tudnának alkalmazni a fertőzött állományon olyan szerrel, aminek a legjobb hatékonyság mellett megfelelő az élelmiszer egészségügyi várakozási ideje és a legkedvezőbb az ára is. Így a gazdasági veszteségek reményeink szerint csökkenthetőek lesznek.